

- 1 -

GCACTGTTTGAGCACTTGGAAAGTTAAATAATTATTGTTGGAGACTGCATGTTTAAATCTTAGA  
 TACTTCCTATTTATGTCTTAGTCAAAATGATTAATTGCTTTTCTATGTGTCTTTTAAATGTCCT  
 AACAA GAA TTT ATT TAT GTG ATA ACT GCA TTT GAC TTG

E F I Y V I T A F D L

GCA TAT CCA ATT ACT CCT TGG AAA TTT AAG TTG TCT TGC ATG CCA  
 A Y P I T P W K F K L S C M P

CCA AAT ACA ACA TAT GAC TTC CTC TTG CCT GCT GGA ATC TCA AAG  
 P N T T Y D F L L P A G I S K

AAC ACT TCA ACT TTG AAT GGA CAT GAT GAG GCA GTT GTT GAA  
 N T S T L N G H D E A V V E

A[T/C]G GAA CTT AAT [T/A][C/T]A AGT GGT ACC TAC TTA TCA AAC  
 M/T E L N S/I S G T Y L S N

TTA TCT TCT AAA ACA ACT TTC CAC TGT TGC TTT TGG AGT GAG GAA  
 L S S K T T F H C C F W S E E

GAT AAA AAC TGC TCT GTA CAT GCA GAC AAC ATT GCA GGG AAG G  
 D K N C S V H A D N I A G K

Figure 1.